

VÍRUS DA INFLUENZA A/B, INFECÇÃO POR - RT-QPCR QUALITATIVO [cód. 12434]

INFORMAÇÕES GERAIS

NOME DO EXAME

Vírus da Influenza A e B

OUTROS NOMES DO EXAME

Vírus A(H1N1)pdm09; Vírus da Influenza A/B; 2009 H1N1;

UTILIDADE DO EXAME

Os vírus Influenza A e B são conhecidos por causarem gripes sazonais, com o tipo A mais comum e sendo os mais comuns os subtipos A(H1N1) e A(H3N2). Os vírus influenza B são classificados em linhagens B(Yamagata) e B(Victoria).

INTERPRETAÇÃO CLÍNICA

INFORMAÇÃO CLÍNICA

Os vírus da gripe A são divididos em subtipos com base em duas proteínas na superfície do vírus: hemaglutinina (H) e neuraminidase (N). Existem 18 subtipos diferentes de hemaglutinina e 11 subtipos diferentes de neuraminidase (H1 a H18 e N1 a N11, respectivamente). Embora mais de 130 combinações de subtipos de gripe A tenham sido identificadas na natureza, principalmente de aves selvagens, há potencialmente muito mais combinações de subtipos de gripe A, dada a propensão para "recombinação" do vírus. A recombinação é um processo pelo qual os vírus da gripe trocam segmentos de genes. A recombinação pode ocorrer quando dois vírus da gripe infectam um hospedeiro ao mesmo tempo e trocam informações genéticas. Os subtipos atuais de vírus da gripe A que circulam rotineiramente em pessoas incluem A(H1N1) e A(H3N2). Os subtipos do vírus da gripe A e as linhagens do vírus da gripe B podem ser ainda mais divididos em diferentes "clados" e "sub-clados" genéticos de HA.

Os vírus influenza A(H1N1) atualmente em circulação estão relacionados ao vírus H1N1 pandêmico de 2009 e causou uma pandemia de gripe. Esses vírus, cientificamente chamados de "vírus A(H1N1)pdm09" e mais geralmente chamados de "H1N1 2009", continuaram a circular sazonalmente desde então e passaram por mudanças genéticas e mudanças em suas propriedades antigênicas (ou seja, as propriedades do vírus que afetam a imunidade).

Os vírus Influenza A e B são os responsáveis pela sazonalidade das epidemias de gripe. O tipo A é conhecido por sua capacidade de afetar humanos e várias espécies de animais, enquanto o tipo B circula quase exclusivamente entre humanos.

Utilizamos o método primer-sonda para detecções de fragmentos do DNA/RNA virais em equipamentos de PCR em tempo real (RT-qPCR ou transcriptase reversa qualitativa e quantitativa PCR). Logo, este método de detecção é direto. A tabela 1 apresenta as informações dos protocolos de amplificação utilizados assim como a comparação deles com alguns kits comerciais.

INTERPRETAÇÕES

Os vírus e respectivas regiões-alvos de seus genomas estão descritos na primeira e segunda colunas, respectivamente. Os limites de detecção apresentados na terceira coluna foram estimados através da diluição seriada dos genomas virais, sendo consideradas os menores números de cópias para os quais 100% das reações foram positivas. As porcentagens de concordâncias dos resultados positivos e negativos obtidos com nosso protocolo e outros protocolos comerciais estão apresentados na quarta e na quinta colunas, respectivamente.

Tabela 1. Protocolo de detecção dos vírus respiratórios.

Vírus	Região alvo	Limite de Detecção (cópias por reação)	Resultados positivos	Resultados negativos
Vírus da Influenza A/B	Gene Matrix	350-1.250	100% ¹	96,5% ¹
Vírus da Influenza A H1N1 (2009)	Gene HA	100	100% ²	100% ²

Observações: 1. Resultados obtidos na comparação com o ensaio Lyra Influenza A+B (Quidel); 2. Resultados obtidos na comparação com o ensaio FTD Respiratory pathogens 21 kit - Fast Track Diagnosis (Siemens);

Interpretação do Exame

1. Resultado "Detectado" indica a presença do patógeno na amostra.
2. Resultado "Não Detectado" indica a ausência do patógeno ou concentração inferior ao limite de detecção (LoD) do teste.
3. Resultado "Inconclusivo": Sem amplificação do controle interno.

Nem todos os resultados positivos indicam infecção ativa atual. Episódios assintomáticos são especialmente comuns para bocavírus e rinovírus, então um julgamento clínico deve ser feito sobre se o vírus detectado está causando os sintomas do paciente ou se os sintomas estão ocorrendo incidentalmente durante um período de detecção viral assintomática.

Estabilidade

Refrigerada: 2° a 8°C até 72 horas

MÉTODO

METODOLOGIA

Detecção baseado em Tecnologia do PCR em tempo real (RT-PCR). A detecção dos vírus Influenza A e B, utiliza kit IVD (diagnóstico *in vitro*) da Thermo Fisher®. Os ensaios moleculares, que dependem da detecção de ácidos nucleicos virais, fornecem resultados rápidos com alta sensibilidade e especificidade, tornando-os testes ideais quando usados no contexto de uma avaliação clínica cuidadosa.

PRAZO

Até 6 horas

AMOSTRA

TIPO DE ESPÉCIME

Obtenção de amostras Swab Nasal ou Escarro. Exame exclusivamente para pacientes com sintomatologia.

INFORMAÇÃO NECESSÁRIA

A amostra para exame pode ser coletado no domicílio sem qualquer custo adicional. Os prazos para entrega de resultados obedecem aos seguintes critérios: Amostras coletadas no domicílio (preferível) das 7 às 12 horas terão laudos emitidos até as 18 horas do mesmo dia. Amostras coletadas no domicílio entre 13 e 24 horas terão laudos emitidos até as 7 h do dia seguinte.

INSTRUÇÕES DE ENVIO

Conservação para transporte em São Paulo a temperatura ambiente (estável por 48 horas).

AMOSTRAS REJEITADAS

Amostras enviadas sem meio de transporte viral

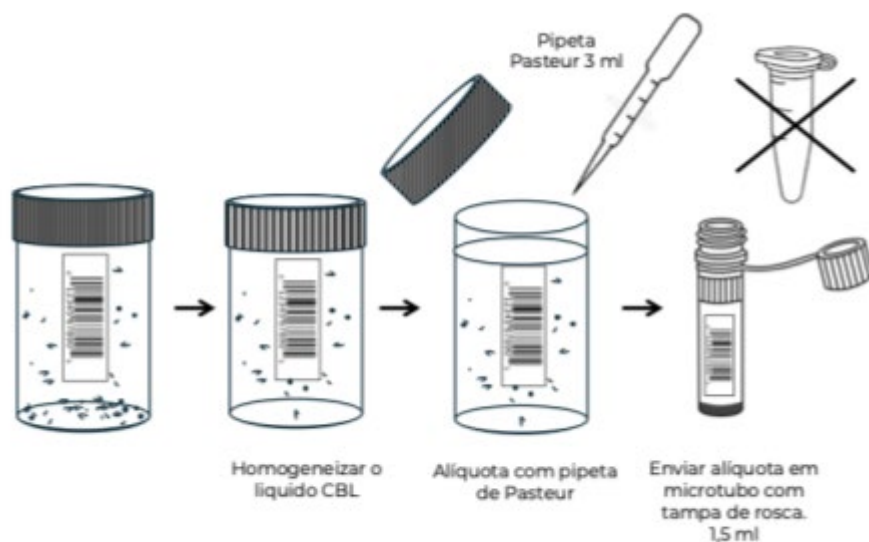
Aliquotagem de amostras para exames moleculares

Alíquota refere-se a uma parte ou porção representativa de uma amostra maior, que é separada para ser utilizada em outro experimento.

Para que nenhuma informação seja perdida nesse processo, o laboratório deve manter um controle de alíquotas e, em um primeiro momento, o técnico identifica o microtubo que receberá a alíquota e, ao mesmo tempo, a registra no sistema. A alíquota deve ser realizada por um técnico de laboratório familiarizado com os objetivos e os resultados esperados.

O exemplo de aliquotagem será do líquido de Citologia de Base Líquida (CBL). A CBL, também conhecida como citologia oncótica em meio líquido ou citologia em meio líquido, é uma técnica onde, ao invés de raspagens na lâmina, as células são coletadas e suspensas em um líquido preservante com metanol, que é tóxico, requerendo uso de luvas.

O líquido da CBL pode conter células livres, debris, células inflamatórias, hemácias, bactérias, vírus, fungos, protozoários, DNA livre, espermatozoides, fibrina, resíduos de cremes, outras substâncias usadas na lavagem vaginal, e mais. Essas partículas estão parcialmente livres no líquido ou sedimentadas no fundo, e o exame de Patologia Molecular busca extrair todo o DNA e RNA presentes na amostra.



O técnico deve homogeneizar a amostra para que tudo seja representado, submetendo-a a forte agitação motora. Em seguida, transferir 1,5 ml desse líquido usando uma pipeta de Pasteur para o microtubo e descartá-lo. Usar um microtubo com tampa de rosca (Kasvi é recomendado) e nunca um microtubo de fechamento por pressão, pois este pode abrir espontaneamente no traslado ao laboratório. Lembre-se: se aliquotar mais do que o necessário (CBL originalmente contém 18 ml de preservante), pode-se interferir no processamento automático da citologia por pouco líquido. Nestes casos, o técnico deverá repor o volume com líquido preservante ou, na falta deste, com álcool 70%.

Medidas para aliquotagem abaixo. Dica: se enviar ≥ 4 ml, utilize um tubo Falcon (ou similar) de 15 ml, como na figura ao lado.

- PCR para HPV - 2 ml
- PCR para Painel Ginecológico - 2 ml
- PCR para HPV e Painel Ginecológico - 2 ml
- Captura Híbrida HPV - 4 ml
- Captura para HPV + PCR para HPV - 6 ml
- Captura para HPV + PCR para painel ginecológico - 6 ml
- Captura para HPV + PCR para HPV e painel ginecológico - 6 ml.

